

1/14

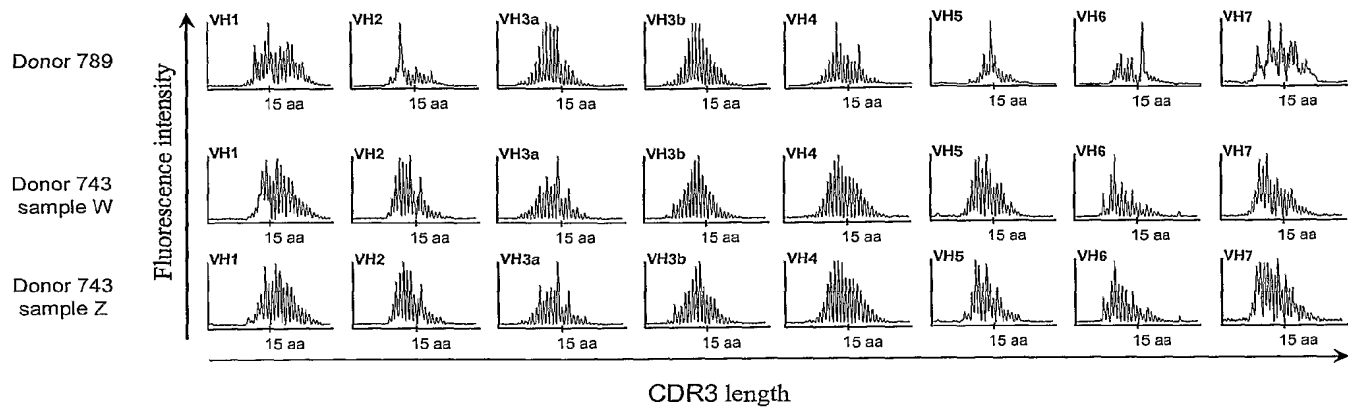


Figure 1A

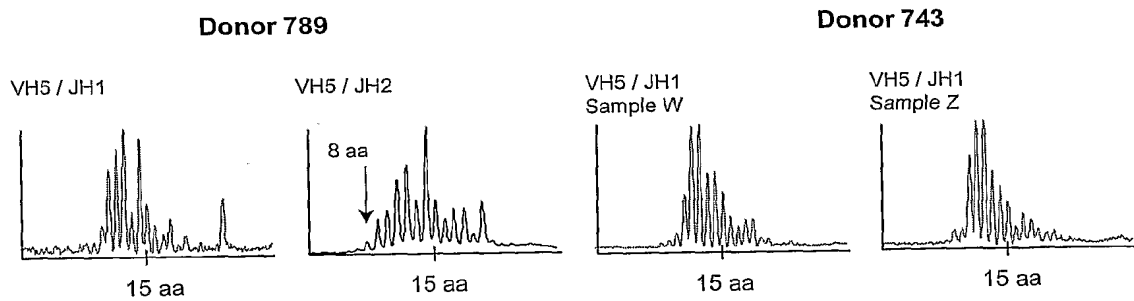


Figure 1B

2/14

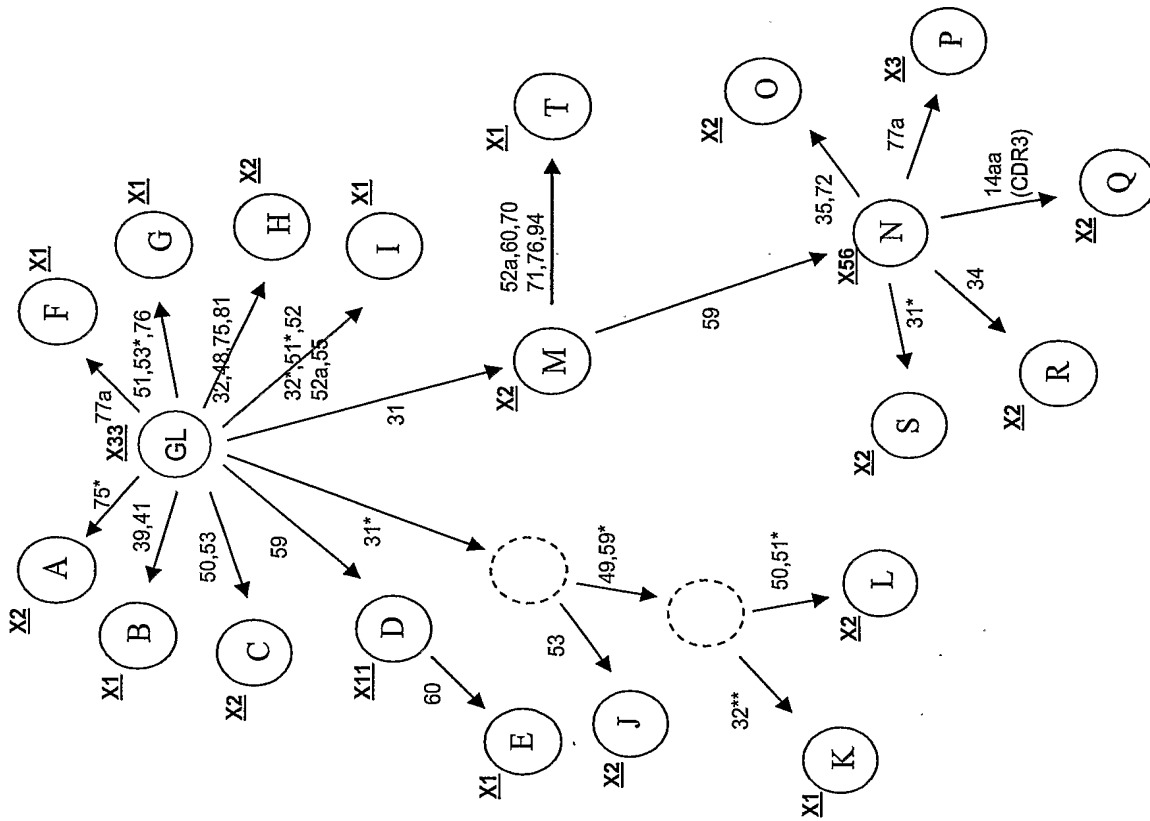


Figure 2B

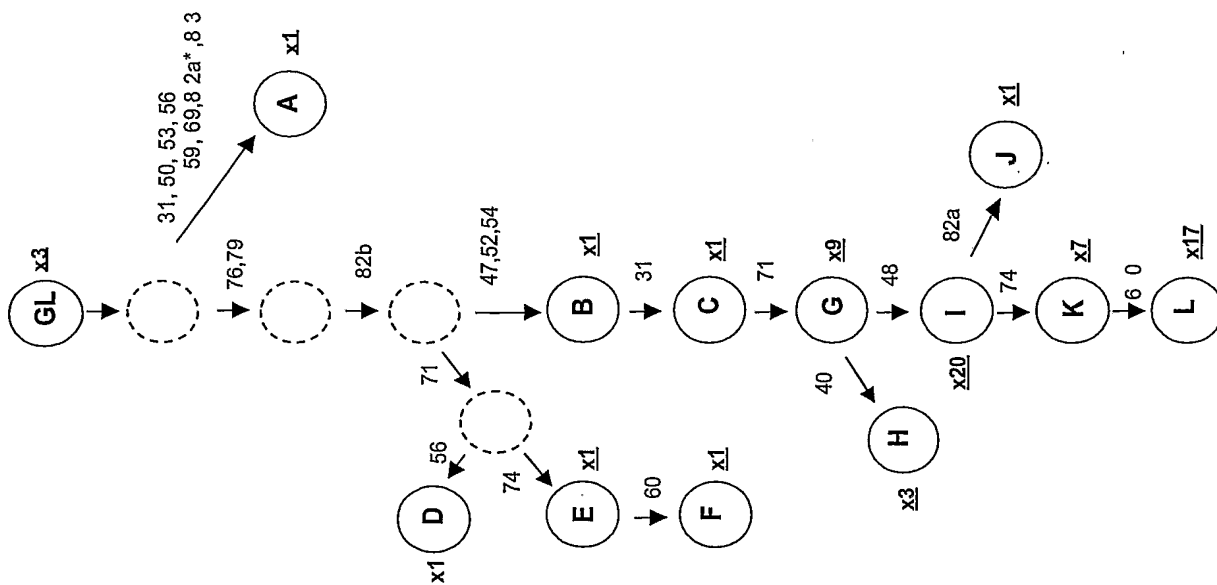


Figure 2A

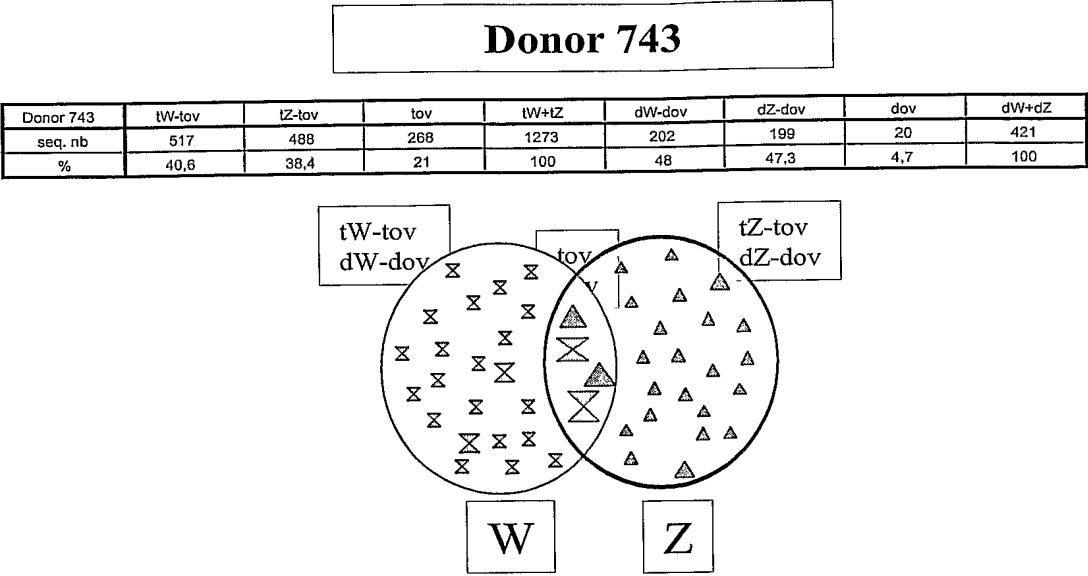


Figure 3A

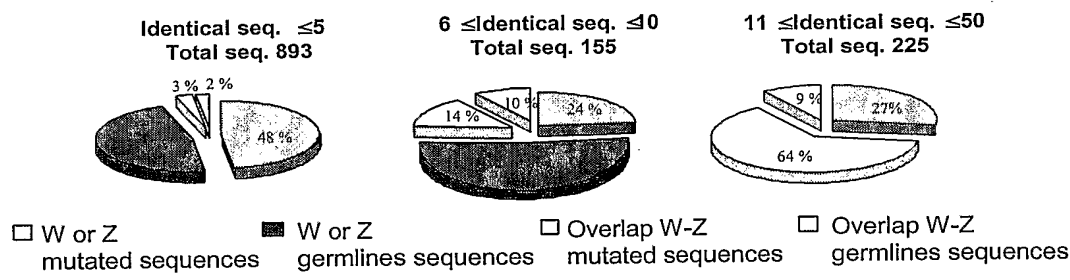


Figure 3B

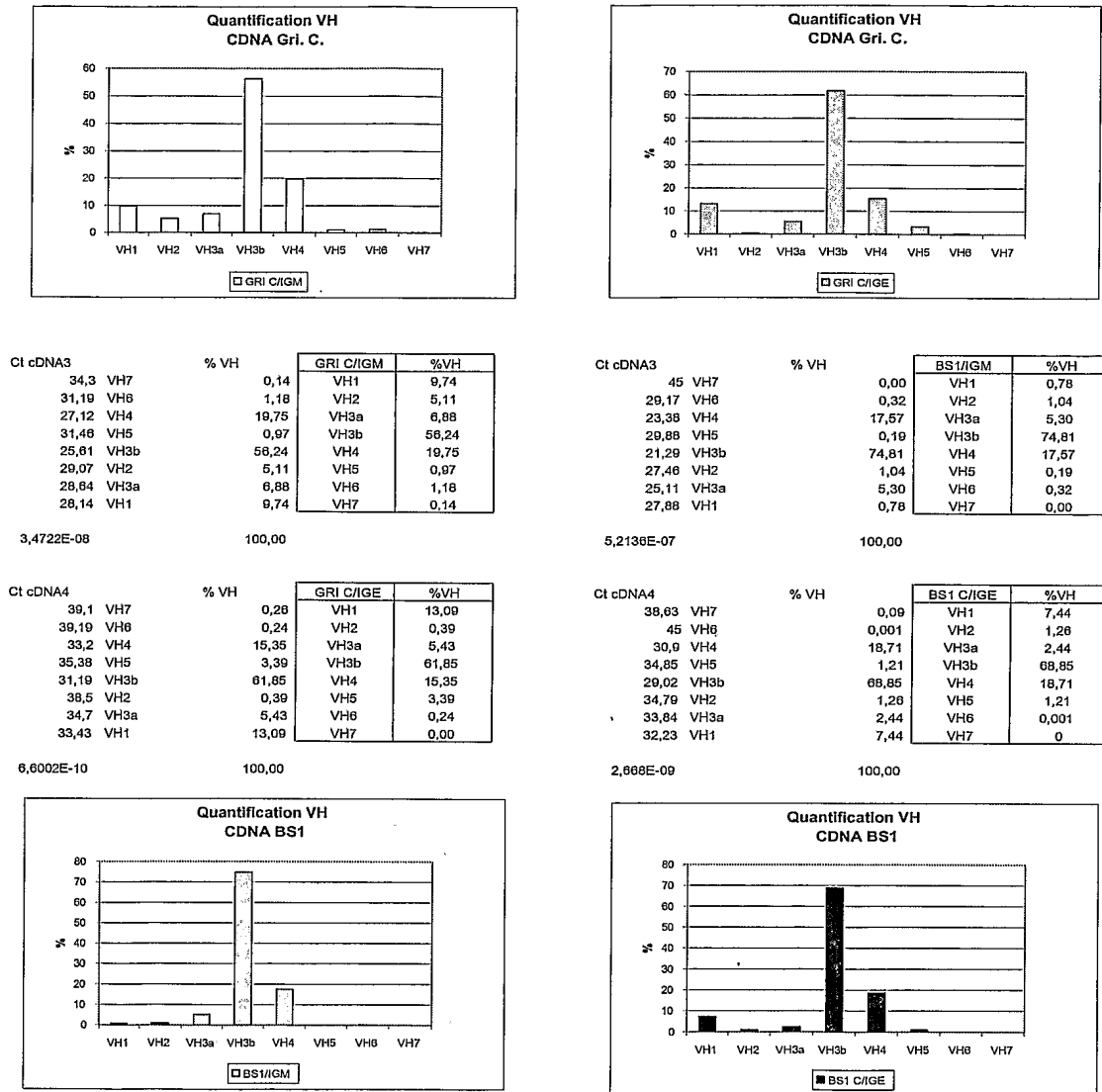
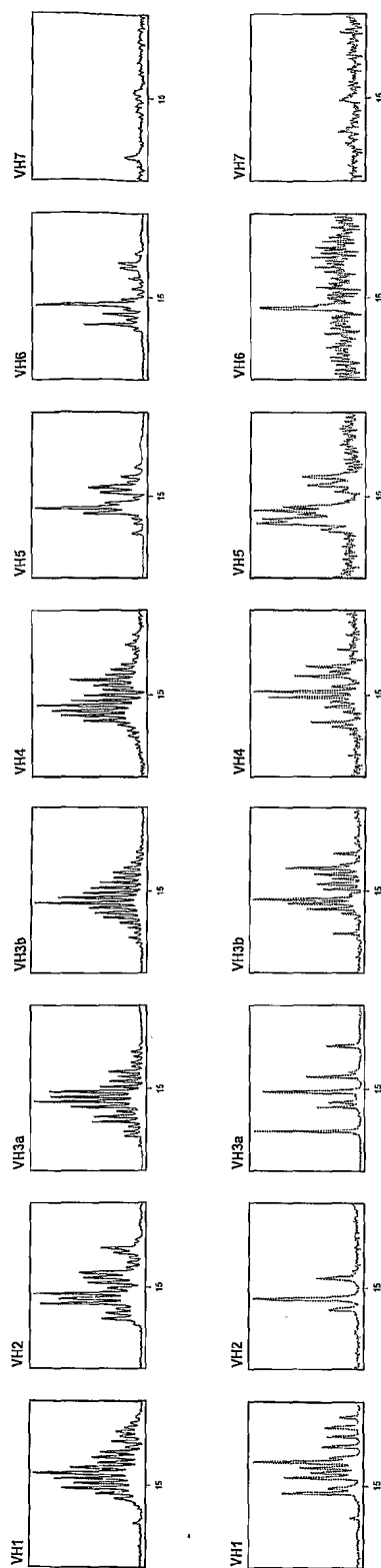


Figure 4

Gri. C.

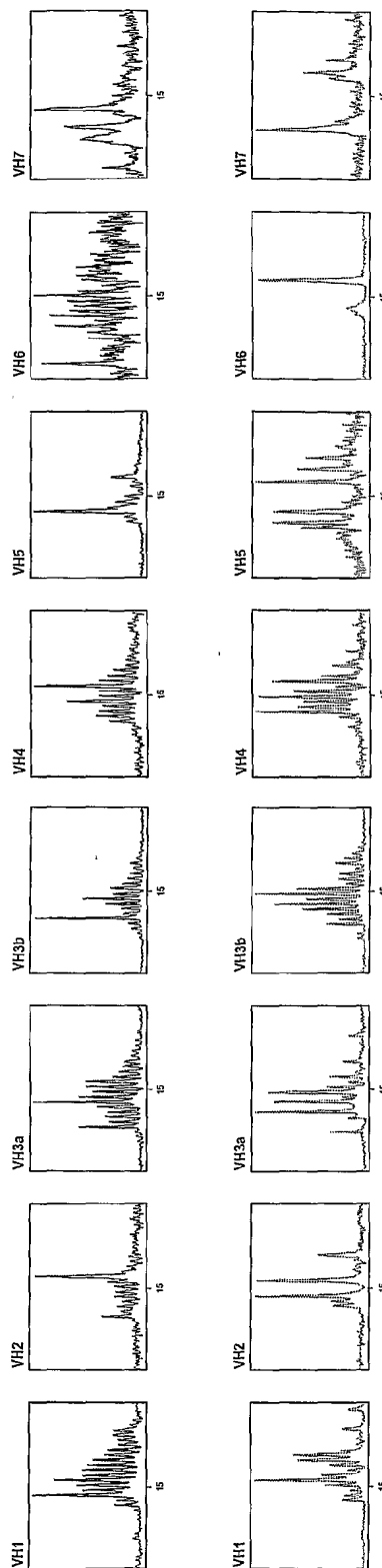
IgM



IgE

BS1

IgM



IgE

Figure 5

	1										100
{a112_b10_039}	-----	-----	-----	-a-	C--a-	----tag-	g--	-----	-----	-----	-----
{a112_g05_018}	-----	-----	-----	-a-	C--a-	----tag-	g--	-----	-----	-----	-----g
{a112_a05_024}	-----	-----	-----	-a-	C--a-	----tag-	g--	-----	-----	-----	-----
{a112_f08_027}	-----	-----	-----	-a-	C--a-	----t-g	g--	-----	-----	-----	-----
{a112_h05_017}	-----	-----	-----	-a-	C--a-	----t-g	g--	-----	-----	-----	-----
{a112_f10_035}	-----	-----	-----	-a-	C--a-	----t-g	g--	-----	-----	-----	-----
{a112_d12_045}	-----	-----	-----	-a-	C--a-	----t-g	g--	-----	-----	-----	-----
{a112_f01_003}	-----	-----	-----	-a-	C--a-	----t-g	g--	-----	-----	-----	-----
{a112_c01_006}	-----	-----	-----	-a-	C--a-	----t-g	g--	-----	-----	-----	-----
{a112_d07_029}	-----	-----	-----	-a-	C--a-	----t-g	g--	-----	-----	-----	-----
{a112_a07_032}	-----	-----	-----	-a-	C--a-	----t-g	g--	-----	-----	-----	-----
{a112_b07_031}	-----	-----	-----	-a-	C--a-	----t-g	g--	-----	-----	-----	-----
{a112_d05_021}	-----	-----	-----	-a-	C--a-	----t-g	g--	-----	-----	-----	-----
{a112_a09_040}	-----	-----	-----	-a-	C--a-	----t-g	g--	-----	-----	-----	-----
{a112_f06_019}	-----	-----	-----	-a-	C--a-	----t-g	g--	-----	-----	-----	-----
{a112_g03_010}	-----	-----	-----	-a-	C--a-	----t-g	g--	-----	-----	-----	-----
{a112_h09_033}	-----	-----	-----	-a-	C--a-	----t-g	g--	-----	-----	-----	-----
{a112_f05_019}	-----	-----	-----	-a-	C--a-	----t-g	g--	-----	-----	-----	-----
{a112_e02_004}	-----	-----	-----	-a-	C--a-	----t-g	g--	-----	-----	-----	-----
{a112_g01_002}	-----	-----	-----	-a-	C--a-	----t-g	g--	-----	-----	-----	-----
germline IGHG1	~-----	-----	-----	-a-	C--a-	----t-g	g--	-----	-----	-----	-----
{a112_b02_007}	--t-----	-----	-----	-----	-----	----t-g	g--	-----	-----	-----	-----
germline IGHG3	~-t-----	-----	-----	-----	-----	----t-g	g--	-----	-----	-----	-----
{a112_h07_025}	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
{a112_h01_001}	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
{a112_f03_011}	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
{a112_g06_018}	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
{a112_c06_022}	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
{a112_d06_021}	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
{a112_b01_007}	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
{a112_h12_041}	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
{a112_g02_002}	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
{a112_a02_008}	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
germline IGHG2	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----c-	-----	-----	-----	-----
{a112_e01_004}	--t-----	-----	C-----	-----	-----	-----	-----c-	-----	-----	-----	-----
{a112_a08_032}	--t-----	-----	C-----	-----	-----	-----	-----c-	-----	-----	-----	-----
{a112_c12_046}	--t-----	-----	C-----	-----	-----	-----	-----c-	-----	-----	-----	-----
{a112_f09_035}	--t-----	-----	C-----	-----	-----	-----	-----c-	-----	-----	-----	-----
{a112_c04_014}	c-t-----	-----	C-----	-----	-----	-----	-----c-	-----	-----	-----	-----
{a112_g08_026}	--t-----	-----	C-----	-----	-----	-----	-----c-	-----	-----	-----	-----
{a112_c02_006}	--t-----	-----	C-----	-----	-----	-----	-----c-	-----	-----	-----	-----
{a112_d08_029}	--t-----	-----	C-----	-----	-----	-----	-----c-	-----	-----	-----	-----
{a112_e06_020}	--t-----	-----	C-----	-----	-----	-----	-----c-	-----	-----	-----	-----
{a112_a06_024}	--t-----	-----	C-----	-----	-----	-----	-----c-	-----	-----	-----	-----
{a112_c09_038}	c-t-----	-----	C-----	-----	-----	-----	-----c-	-----	-----	-----	-----
{a112_g10_034}	--t-----	-----	C-----	-----	-----	-----	-----c-	-----	-----	-----	-----
{a112_e03_012}	--t-----	-----	C-----	-----	-----	-----	-----c-	-----	-----	-----	-----
{a112_f07_027}	--t-----	-----	C-----	-----	-----	-----	-----c-	-----	-----	-----	-----
{a112_g12_042}	--t-----	-----	C-----	-----	-----	-----	-----c-	-----	-----	-----	-----
germline IGHG4	~-t-----	-----	C-----	-----	-----	-----	-----c-	-----	-----	-----	-----
Consensus	GCCTCCACCA	AGGCCCCATC	GCTCTTCCCC	CTGGCGCCCT	GCTCCAGGAG	CACCTCCGAG	AGCACAGCGG	CCCTGGGCTG	CCTGGTCAAG	GACTACTTCC	

7/14

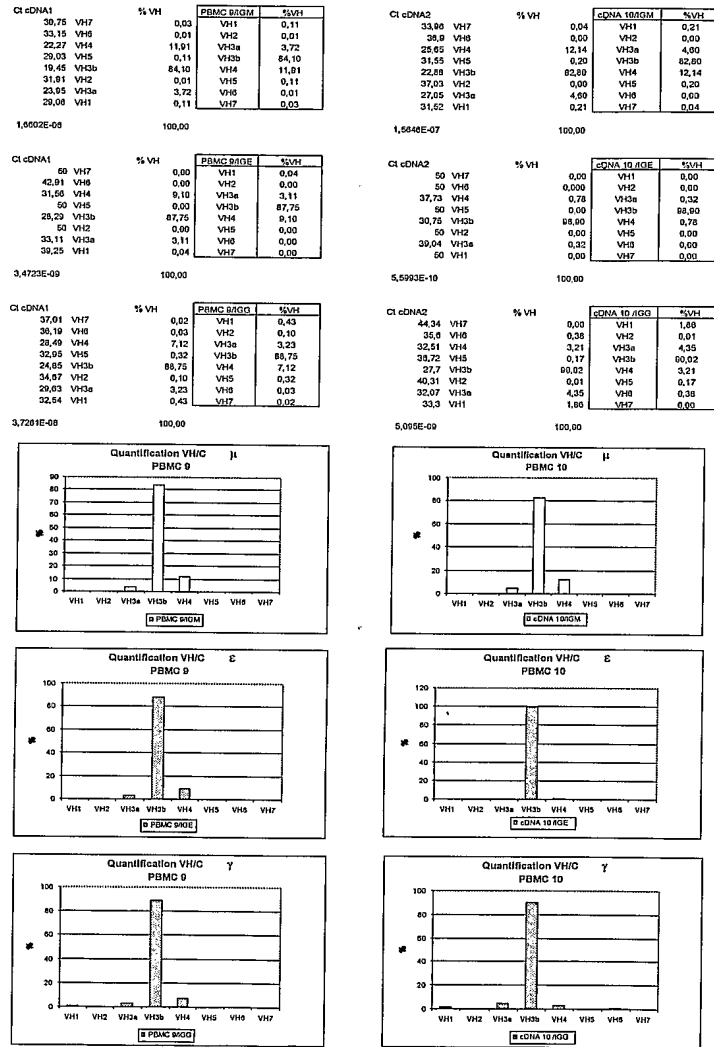


Figure 7

8/14

Cl cDNA1			cDNA9/IGM		%VH	
30,75	VH7	0,03	VH1	0,11		
33,15	VH6	0,01	VH2	0,01		
22,27	VH4	11,62	VH3a	3,63		
29,03	VH5	0,11	VH3b	82,09		
19,45	VH3b	82,09	VH4	11,62		
31,91	VH2	0,01	VH5	0,11		
23,95	VH3a	3,63	VH6	0,01		
29,06	VH1	0,11	VH7	0,03		
50			cDNA9/IGE		%VH	
42,91	VH6	7,1E-08	VH1	0,00		
31,58	VH4	1,9E-02	VH2	0,00		
50	VH5	5,2E-08	VH3a	0,01		
28,29	VH3b	1,8E-01	VH3b	0,16		
50	VH2	5,2E-08	VH4	0,02		
33,11	VH3a	6,3E-03	VH5	0,00		
39,25	VH1	9,0E-05	VH6	0,00		
37,01			cDNA9/IGG		%VH	
36,19	VH6	4,2E-04	VH1	0,0		
28,49	VH4	7,5E-04	VH2	0,0		
32,95	VH5	1,6E-01	VH3a	0,1		
24,85	VH3b	7,1E-03	VH3b	1,9		
34,67	VH2	1,8E+00	VH4	0,2		
29,83	VH3a	2,2E-03	VH5	0,0		
32,54	VH1	7,1E-02	VH6	0,0		
		9,4E-03	VH7	0,0		
1,7009E-08			100			
Cl cDNA 2			cDNA10/IGM		%VH	
33,96	VH7	0,04	VH1	0,20		
36,9	VH6	0,00	VH2	0,00		
25,65	VH4	11,72	VH3a	4,44		
31,55	VH5	0,20	VH3b	79,91		
22,88	VH3b	79,91	VH4	11,72		
37,03	VH2	0,00	VH5	0,20		
27,05	VH3a	4,44	VH6	0,00		
31,52	VH1	0,20	VH7	0,04		
50			cDNA10/IGE		%VH	
50	VH7	5,48E-07	VH1	0,00		
37,73	VH6	5,48E-07	VH2	0,00		
50	VH4	2,71E-03	VH3a	0,00		
50	VH5	5,48E-07	VH3b	0,34		
30,75	VH3b	3,42E-01	VH4	0,00		
50	VH2	5,48E-07	VH5	0,00		
39,04	VH3a	1,09E-03	VH6	0,00		
50	VH1	5,48E-07	VH7	0,00		
44,34			cDNA10/IGG		%VH	
35,8	VH6	2,77E-05	VH1	0,06		
32,51	VH4	1,18E-02	VH2	0,00		
36,72	VH5	1,01E-01	VH3a	0,14		
27,7	VH3b	5,45E-03	VH3b	2,83		
40,31	VH2	2,83E+00	VH4	0,10		
32,07	VH3a	4,63E-04	VH5	0,01		
33,3	VH1	1,37E-01	VH6	0,01		
		5,63E-02	VH7	0,00		
1,6211E-07			100			

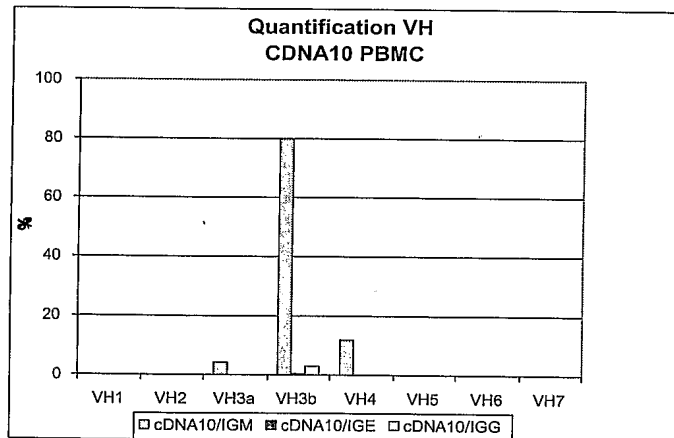
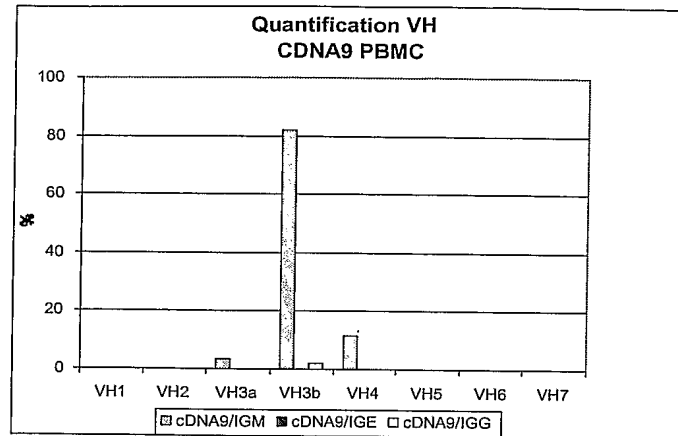


Figure 8



Figure 9

10/14

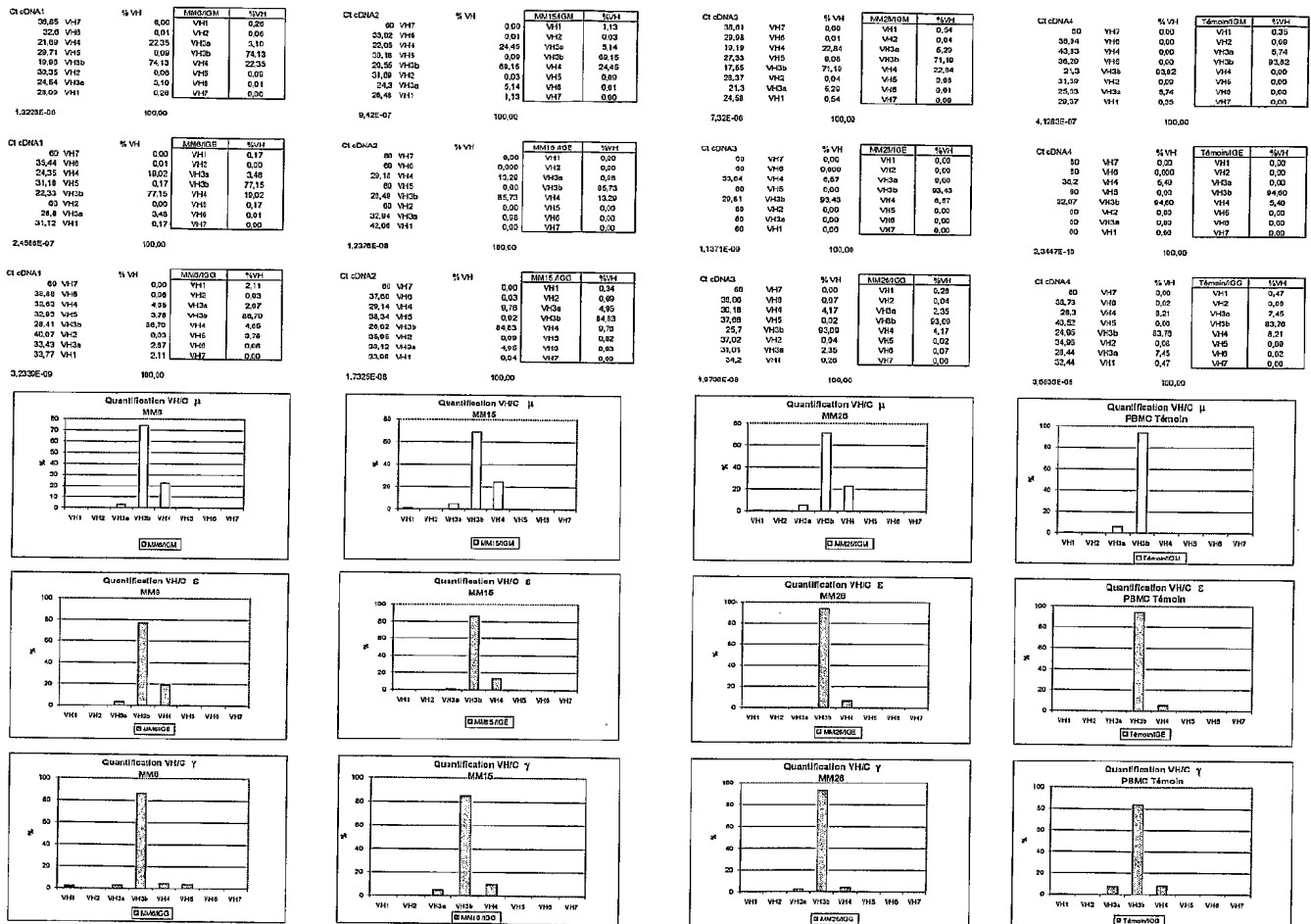


Figure 10

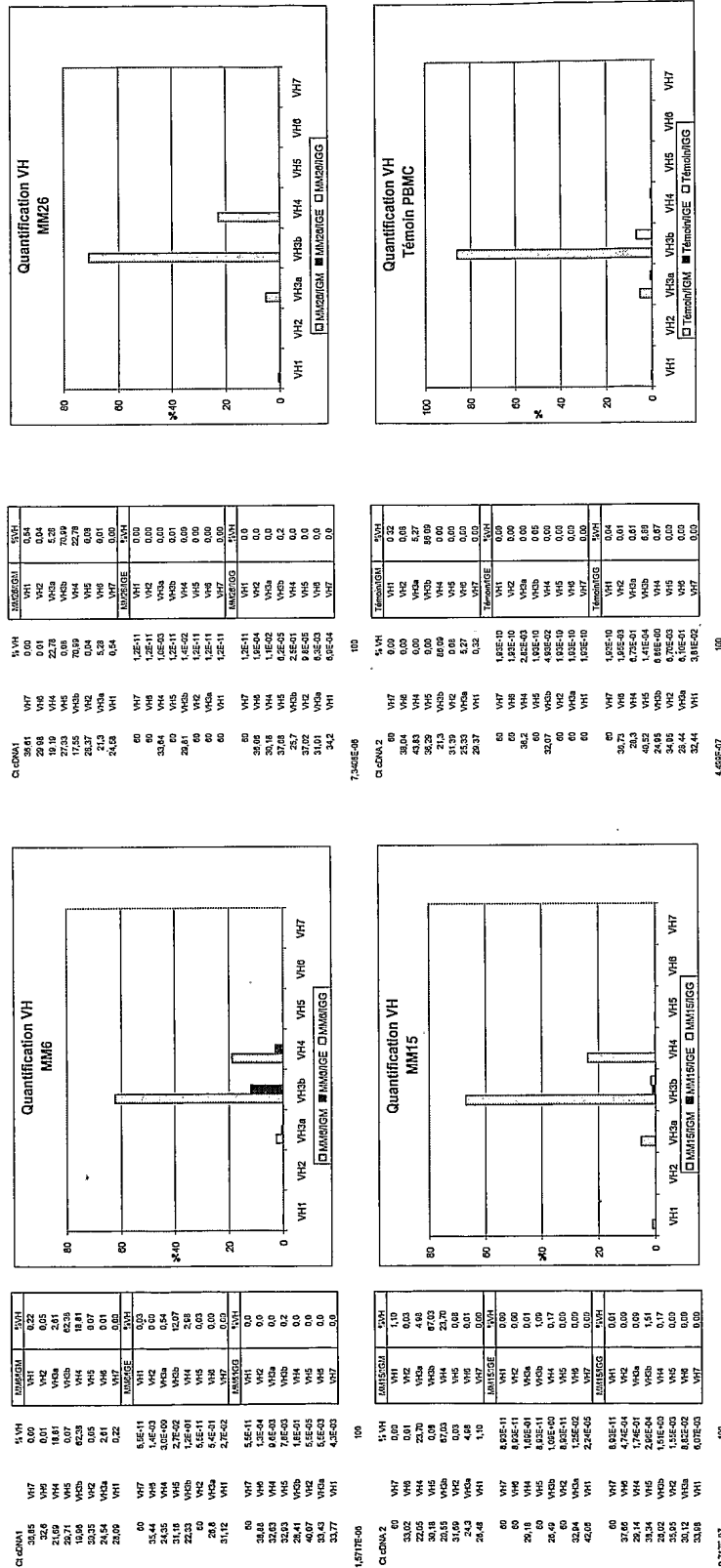


Figure 11

12/14

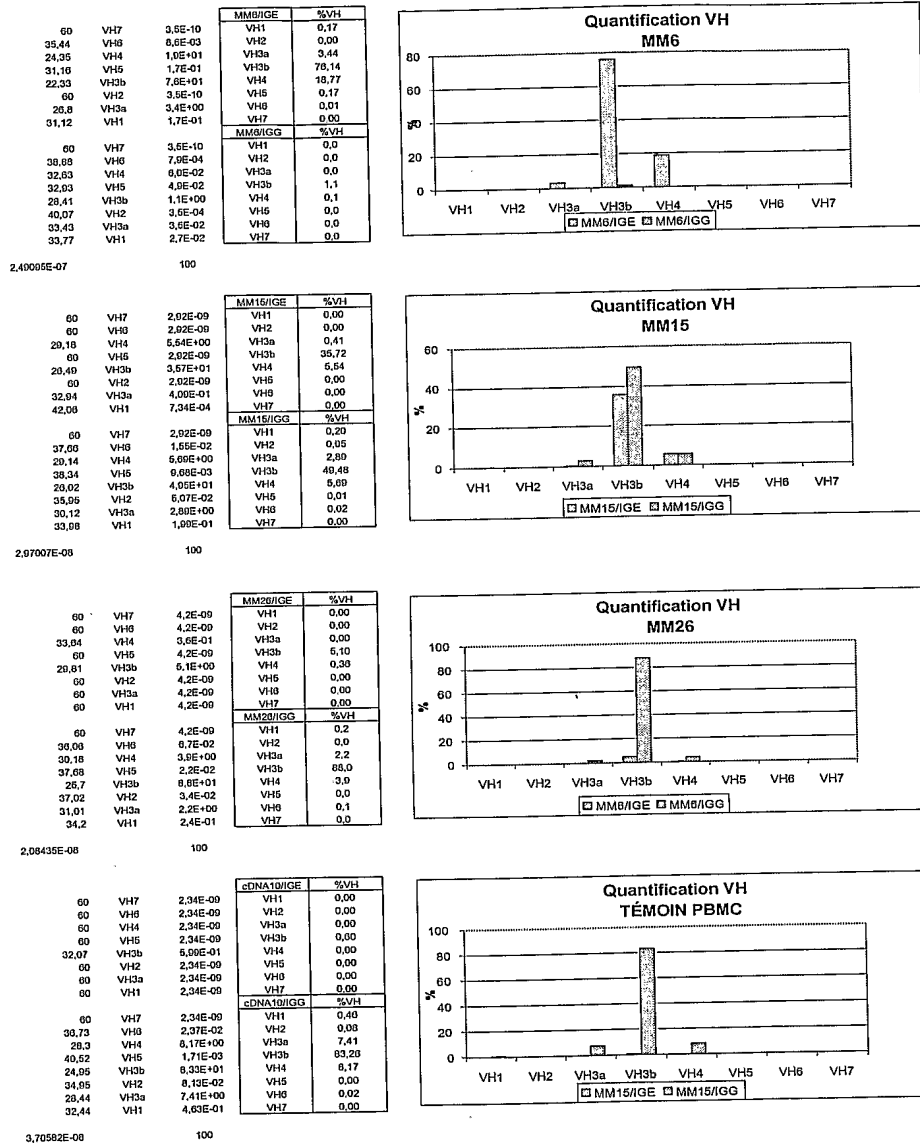


Figure 12

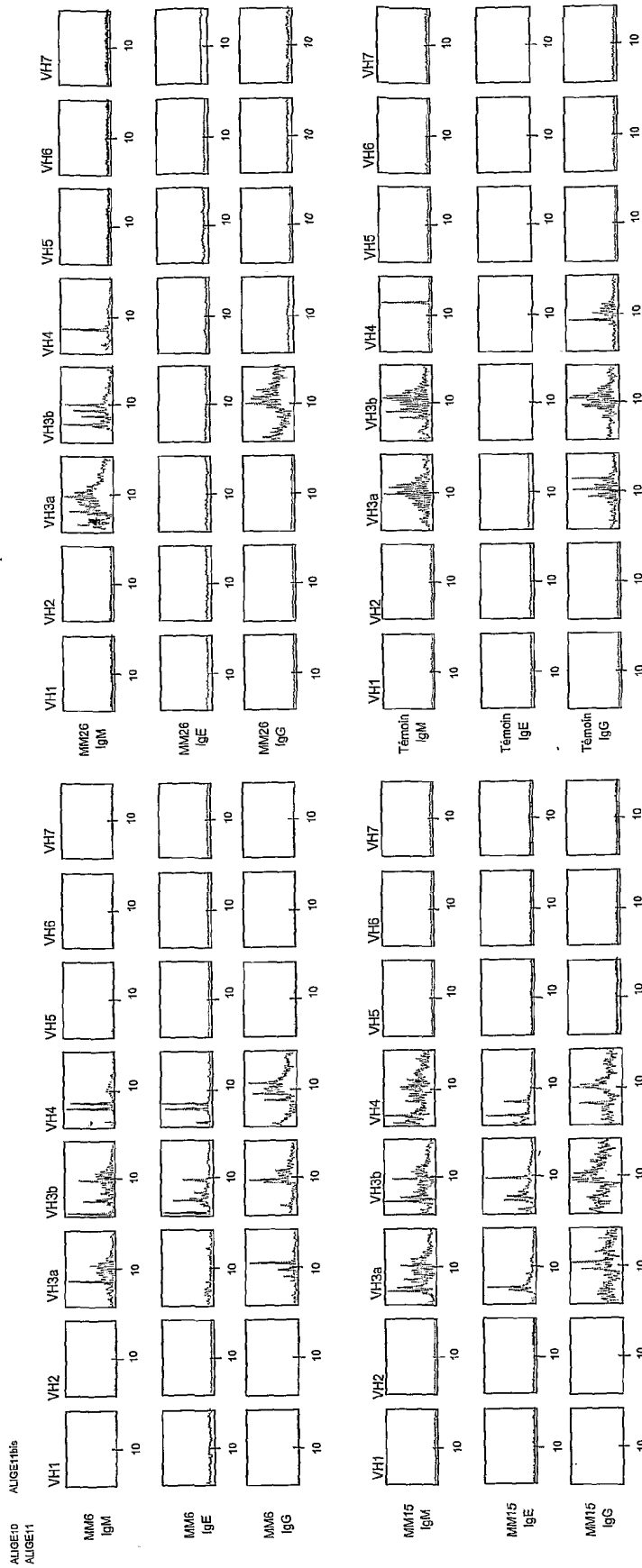
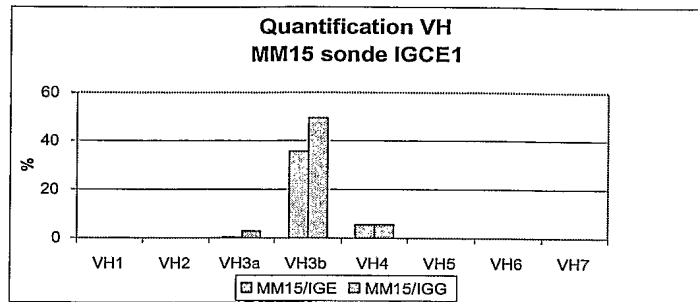


Figure 13

IGE12

60	VH7	2,9E-09
60	VH6	2,9E-09
29,18	VH4	5,5E+00
60	VH5	2,9E-09
26,49	VH3b	3,6E+01
60	VH2	2,9E-09
32,94	VH3a	4,1E-01
42,06	VH1	7,3E-04
60	VH7	2,9E-09
37,66	VH6	1,6E-02
29,14	VH4	5,7E+00
38,34	VH5	9,7E-03
28,02	VH3b	4,9E+01
35,95	VH2	5,1E-02
30,12	VH3a	2,9E+00
33,98	VH1	2,0E-01

MM15/IGE		%VH
VH1		0,00
VH2		0,00
VH3a		0,41
VH3b		35,72
VH4		5,54
VH5		0,00
VH6		0,00
VH7		0,00
MM15/IGG		%VH
VH1		0,2
VH2		0,1
VH3a		2,9
VH3b		49,5
VH4		5,7
VH5		0,0
VH6		0,0
VH7		0,0



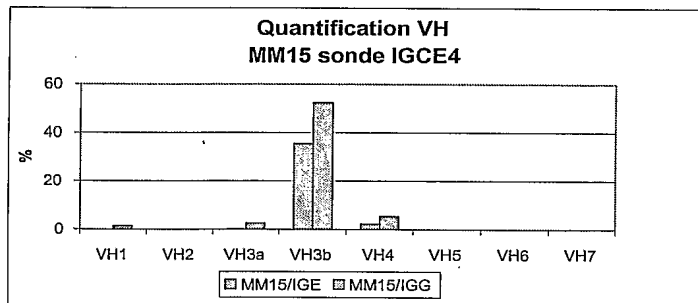
2,97007E-08

100

IGE11

60	VH7	1,61E-09
60	VH6	1,61E-09
29,56	VH4	2,38E+00
40,25	VH5	1,42E-03
25,64	VH3b	3,55E+01
60	VH2	1,61E-09
33,62	VH3a	1,41E-01
35,23	VH1	4,61E-02
60	VH7	1,61E-09
35,22	VH6	4,64E-02
28,35	VH4	5,43E+00
36,9	VH5	1,45E-02
25,08	VH3b	5,24E+01
36,4	VH2	2,05E-02
29,41	VH3a	2,60E+00
30,26	VH1	1,44E+00

MM15/IGE		%VH
VH1		0,05
VH2		0,00
VH3a		0,14
VH3b		35,53
VH4		2,35
VH5		0,00
VH6		0,00
VH7		0,00
MM15/IGG		%VH
VH1		1,44
VH2		0,02
VH3a		2,60
VH3b		52,38
VH4		5,43
VH5		0,01
VH6		0,05
VH7		0,00



5,38302E-08

100

Figure 14